

***Nemzetközi projekt a tüdőrák prevenciója, korai felismerése és kezelése területén –
Lung Cancer-related risk factors and their Impact Assessment“ (Lucia)***

HOPE – European Hospital and Healthcare Federation, 16 Feb 2023

Kulcsszavak: népegészségügy, rákos megbetegedések, onkológia, tüdőrák, megelőzés, prevenció, korai felismerés, „Lung Cancer-related risk factors and their Impact Assessment“ (Lucia), Európai Unió

Forrás Internet-helye:

HOPE – European Hospital and Healthcare Federation:

https://hope.be/EU_Projects/lucia/ ;

<https://www.irbbarcelona.org/en/news/institutional/ambitious-european-project-elucidate-genomics-and-epigenomics-lung-cancer> ;

European Center for Angioscience (ECAS): <https://www.umm.uni-heidelberg.de/ecas/>

A „*Lung Cancer-related risk factors and their Impact Assessment“ (Lucia)* nemzetközi konzorciumban 22 európai kutatóintézet vesz részt. Koordinációját jelenleg a *Technion – Israel Institute of Technology, Haifa* látja el. A projekt a „*Horizon Europe*“ európai kutatás-fejlesztési keretprogram keretében négy évig összesen 14,6 millió EUR támogatásban részesül.

A tüdőrák különböző formáinak prognózisa továbbra is kedvezőtlen. Az átlagos túlélési ráta öt évvel a diagnózis után férfiaknál mindössze 17%, nőknél 24%.

A konzorcium célul tűzte a tüdőrák különböző formái összes kockázati tényezőjének azonosítását és ebből kiindulva a megbetegedés gyakoribb megakadályozását, jobb diagnosztizálását és hatékonyabb kezelését szolgáló módszerek kidolgozását.

A rendszerezés kiterjed az individuális tényezőkre, többek között az életstílusra és a káros anyagoknak való expozícióra, a külső tényezőkre, mint a közlekedés, a klíma és a szocioökonómiai vonatkozások, valamint a biológiai folyamatokra, beleértve az öregedést és a genetika, az epigenetika és az anyagcsere szintjén bekövetkező változásokat.

A multidiszciplináris megközelítés célja prevenciós stratégiák kidolgozása az új eredmények alapján, valamint ezek végrehajtásának támogatása és ajánlások megfogalmazása a politikum számára.

Ennek során – a genomok, a proteomok, transzkriptomok, epigenomok és mikrobiomok szintjén – ún. multiomikus adatok alkalmazására is sor kerül, amelyek bepillantást nyújtanak a sejten belüli molekuláris összefüggésekbe és klinikai, demográfiai és geográfiai adatokat is felszínre hoznak.